
Kapitel 8

Methoden für Ähnlichkeitsanfragen

Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme
Wintersemester 07/08, LMU München

© 2007 Prof. Dr. Hans-Peter Kriegel, Dr. Matthias Renz

Übersicht

- 8.1 Feature-Basierte Ähnlichkeit
- 8.2 Algorithmische Paradigmen zur Anfragebearbeitung
- 8.3 Bereichsanfragen
- 8.4 Nächste-Nachbarn-Anfragen

8.1 Feature-Basierte Ähnlichkeit

8.1.1 Das Prinzip der feature-basierten Ähnlichkeit

– Grundidee der Feature-Transformation

- Erwünscht: effiziente Ähnlichkeitssuche in Datenbanken
- Meist ist Effizienz ohne Einsatz von Indexstrukturen nicht zu verwirklichen
- Prinzipien:
 - Entwickle nicht für jedes der einzelnen Anwendungsgebiete/ Ähnlichkeitsmaße spezielle Indexstrukturen
 - Versuche mit wenigen Arten von Indexstrukturen möglichst viele Anwendungsgebiete abzudecken
- Indexstrukturen für:
 - Multidimensionale Vektoren
 - Allgemeine metrische Daten (beliebige Objekte, auf denen eine metrische Distanzfunktion definiert ist)

LMU München – Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme WS07/08

- Extrahiere charakteristische (numerische) Eigenschaften („Features“) aus den Objekten



- Wichtigste Eigenschaft der Feature-Transformation:
 - Ähnlichkeit der Objekte entspricht geringem Abstand der Feature-Vektoren
 - => Ähnlichkeitsanfragen im Objektraum entsprechen Nachbarschaftsanfragen im Feature-Raum
 - => Unterstützung durch geeignete multidimensionale Indexstrukturen

8.1.2 Feature-Räume und Distanzen

– Allgemeiner Feature-Raum

Ein Feature-Raum ist ein Tupel $\Phi = (\text{Dom}, \text{dist})$ mit

- Dom ist ein Wertebereich (Domain)
- dist ist eine Distanzfunktion, d.h. es gilt
 - Reflexivität $\forall x, y \in \text{Dom}: \text{dist}(x, y) = 0 \Leftrightarrow x = y$
 - Positiv-Definitheit $\forall x, y \in \text{Dom}, x \neq y: \text{dist}(x, y) > 0$
 - Symmetrie $\forall x, y \in \text{Dom}: \text{dist}(x, y) = \text{dist}(y, x)$

– Metrischer Raum

Ein metrischer Raum ist ein Tupel $\Phi_M = (\text{Dom}, \text{dist})$ mit

- $(\text{Dom}, \text{dist})$ ist ein allgemeiner Feature-Raum
- dist erfüllt zusätzlich die
 - Dreiecksungleichung $\forall x, y, z \in \text{Dom}: \text{dist}(x, z) \leq \text{dist}(x, y) + \text{dist}(y, z)$

– Vektorraum

Ein (euklidischer) Vektorraum der Dimension d (d -dimensionaler Vektorraum) ist ein Tupel $\Phi_E = (\text{Dom}, \text{dist})$ mit

- $(\text{Dom}, \text{dist})$ ist ein metrischer Raum
- $\text{Dom} = \mathbb{R}^d$

– Feature-Transformation

Eine Feature-Transformation ist eine Abbildung

$$T: \text{OBJ} \rightarrow (\text{Dom}, \text{dist})$$

die jedem Objekt $o \in \text{OBJ}$ aus dem Objektraum ein Objekt aus dem Wertebereich Dom zuordnet.

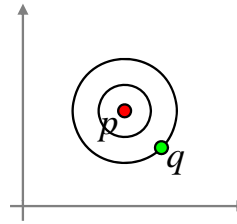
Die Distanz im Objektraum wird durch die Distanz im Feature-Raum repräsentiert, d.h.

$$\forall x, y \in \text{OBJ}: \text{dist}_{\text{OBJ}}(x, y) \equiv \text{dist}_{\text{Dom}}(T(x), T(y))$$

– Distanzmaße in Vektorräumen

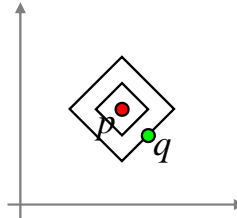
- Euklidische Norm (L_2):

$$\text{dist} = ((p_1 - q_1)^2 + (p_2 - q_2)^2 + \dots)^{1/2}$$
 Natürliches Distanzmaß



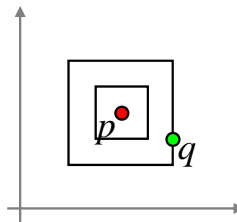
- Manhattan-Norm (L_1):

$$\text{dist} = |p_1 - q_1| + |p_2 - q_2| + \dots$$
 Die Unähnlichkeiten der einzelnen Merkmale werden direkt addiert.



- Maximums-Norm (L_∞):

$$\text{dist} = \max\{|p_1 - q_1|, |p_2 - q_2|, \dots\}$$
 Die Unähnlichkeit des am wenigsten ähnlichen Merkmals zählt.



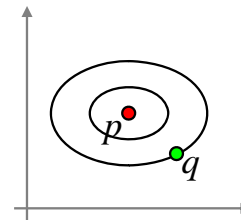
LMU München – Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme WS07/08

- Verallgemeinerung L_p -Abstand: $\text{dist}_p = (|p_1 - q_1|^p + |p_2 - q_2|^p + \dots)^{1/p}$

- Gewichtete Euklidische Norm:

$$\text{dist} = (w_1(p_1 - q_1)^2 + w_2(p_2 - q_2)^2 + \dots)^{1/2}$$

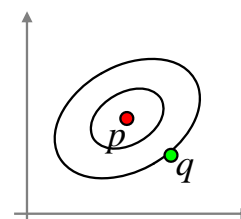
Häufig sind die Wertebereiche der Merkmale deutlich unterschiedlich.
 Beispiel: Merkmal $M_1 \in [0.01 \dots 0.05]$
 Merkmal $M_2 \in [3.07 \dots 22.2]$
 Damit M_1 überhaupt berücksichtigt wird, muss es höher gewichtet werden.



- Quadratische Form:

$$\text{dist} = ((p - q) \mathbf{M} (p - q)^T)^{1/2}$$

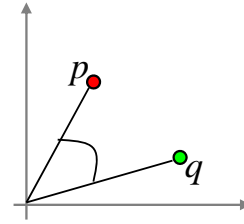
Bisherige Abstandsmaße gewichten Merkmale nur getrennt.
 Besonders bei Farbhistogrammen müssen verschiedene Merkmale gemeinsam gewichtet werden.



- Cosinus-Distanz

$$dist = \cos(\text{winkel}(p,q))$$

Berechnet den Cosinus des Winkels.
Meist für sehr hochdimensionale
Feature-Vektoren (z.B. Texte).



- Bemerkungen

- Jeder Vektorraum ist ein metrischer Raum. Jeder metrische Raum ein allgemeiner Feature-Raum.
- Sprechweise meist: „Feature-Raum“ statt (euklidischer) Vektorraum.
- Transformation der komplexen Objekte meistens in metrische Räume wegen der Dreiecksungleichung (Performanz!!!).

LMU München – Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme WS07/08

8.2 Algorithmische Paradigmen zur Anfragebearbeitung

8.2.1 Übersicht

- Typen von Ähnlichkeitsanfragen
 - Bereichsanfragen
 - Nächste-Nachbarn-Anfragen
- Algorithmische Paradigmen
 - Naive (sequentielle) Suche
 - Für alle n Objekte der Datenbank wird das Anfrage-Prädikat (d.h. meist eine Distanzberechnung zum Anfrageobjekt) ausgewertet
 - Kosten: $O(n \cdot \text{Kosten für die Auswertung des Anfrage-Prädikats})$
 - Indexbasierte Suche
 - Mehrstufige Anfragebearbeitung

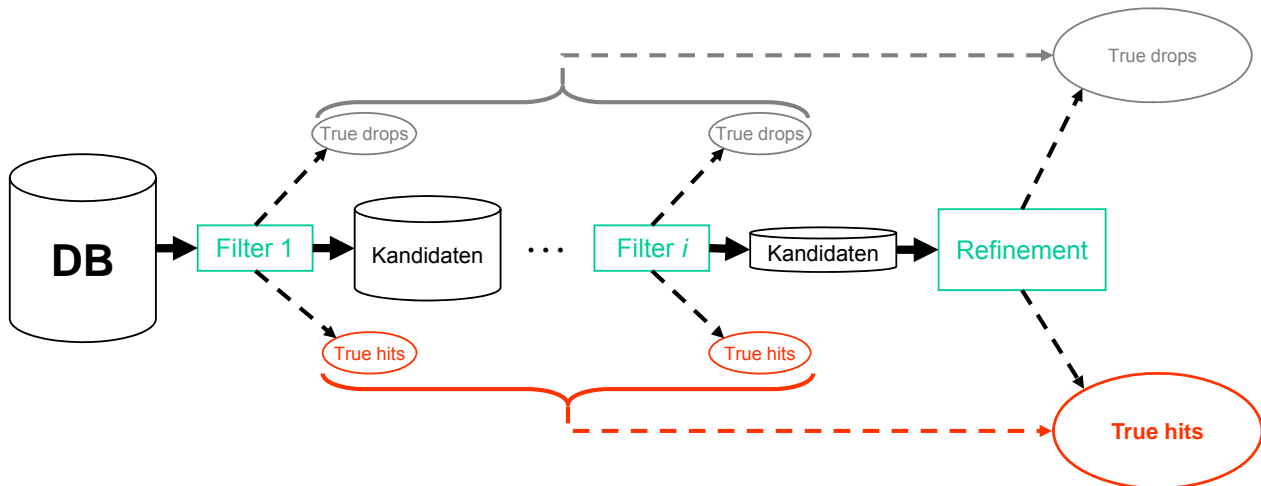
LMU München – Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme WS07/08

8.2.3 Mehrstufige Anfragebearbeitung

- Idee:
 - Verwendetes Distanzmaß ist sehr teuer (z.B. Edit-Distanz) oder nicht feature-basiert (z.B. Überlappungsfläche von Polygonen)
 - Vektorraum ist sehr hochdimensional (Curse of Dimensionality)
 - Benutze ein feature-basiertes (meist niedrig-dimensionales) Distanzmaß als Filterschritt (Filterdistanz)
 - Filterdistanz sollte billiger sein als exakte Distanz (entsprechend niedrig-dimensional => Dimensionsreduktion?)
 - Werte Anfrage-Prädikat (Distanzberechnung) mit Filterdistanz aus
 - Ergebnisse sind noch keine exakten Treffer sondern Kandidaten
 - Kandidatenmenge sollte möglichst klein sein (Filterselektivität)
 - Filterselektivität
$$\sigma_F = \frac{\text{\#Kandidaten}}{n}$$
 - Verfeinerung: für die Kandidaten wird das exakte Distanzmaß berechnet, was i.A. teurer, dafür selektiver als der Filterschritt ist

– Mehrstufige Anfragebearbeitung:

- Ein oder mehrere (kaskadierende) Filterschritte schränken die Kandidatenmenge sukzessive ein
- Verfeinerungsschritt testet auf Korrektheit der Kandidaten



LMU München – Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme WS07/08

– Zusammenpassen von Filter und Refinement

- Idealfall: Filterdistanz ist obere oder untere Schranke (upper/lower bound) der exakten Distanz => es kann garantiert werden, dass keine exakten Treffer verloren gehen (no false dismissals/drops)
- Sonst: Ergebnisse u.U. nicht vollständig!!!
- Lower Bounding Filter F_{LB}

$$\forall x, y \in DB : dist_{F_{LB}}(F_{LB}(x), F_{LB}(y)) \leq dist(x, y)$$

- Konservative Approximation (d.h. Obermenge) der Ergebnismenge
- Objekte können evtl. bereits aufgrund der Filterdistanz als exakte Fehltreffer (true drops) identifiziert werden

- Upper Bounding Filter F_{UB}

$$\forall x, y \in DB : dist_{F_{UB}}(F_{UB}(x), F_{UB}(y)) \geq dist(x, y)$$

- Progressive Approximation (d.h. Untermenge) der Ergebnismenge
- Objekte können evtl. bereits aufgrund der Filterdistanz als exakte Treffer (true hits) identifiziert werden

8.3 Bereichsanfragen

– Allgemeines

- Eigenschaften
 - Benutzer gibt Anfrageobjekt q und maximale Distanz ε vor
 - Ergebnis enthält alle Objekte, die höchstens eine Distanz von ε zu q haben
- Formal

$$RQ(q, \varepsilon) = \{o \in DB \mid dist(q, o) \leq \varepsilon\}$$

– Basisalgorithmus (sequential scan)

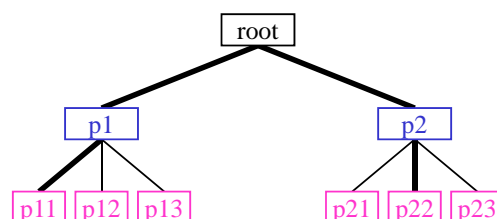
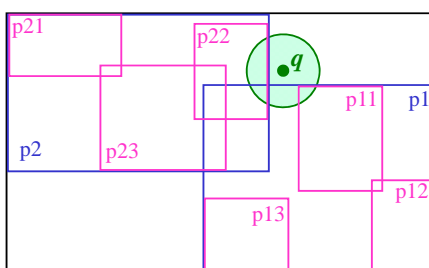
```

RQ-SeqScan(DB,  $q$ ,  $\varepsilon$ )
  result =  $\emptyset$ ;
  FOR  $i=1$  TO  $n$  DO
    IF  $dist(q, DB.getObject(i)) \leq \varepsilon$  THEN
      result := result  $\cup$  getObject( $i$ );
  RETURN result;
  
```

– Algorithmus mit Index: Tiefensuche

```

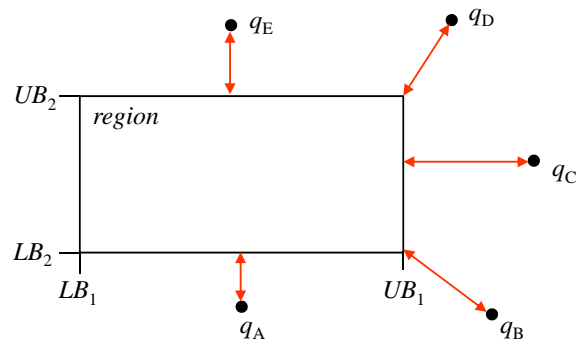
RQ-Index(pa,  $q$ ,  $\varepsilon$ ) // pa = page address z.B. der Wurzel des Indexes
  result =  $\emptyset$ ;
  p := pa.loadPage();
  IF p.isDataPage() THEN
    FOR  $i=0$  TO p.size() DO
      IF  $dist(q, p.getObject(i)) \leq \varepsilon$  THEN
        result := result  $\cup$  getObject( $i$ );
  ELSE // p ist Directoryseite
    FOR  $i=0$  TO p.size() DO
      IF  $MINDIST(q, p.getRegion(i)) \leq \varepsilon$  THEN
        result := result  $\cup$  RQ-Index(p.childPage( $i$ ),  $q$ ,  $\varepsilon$ )
  RETURN result;
  
```



- MINDIST

- Test, ob Queryregion sich mit Seitenregion schneidet
- Minimale Distanz zwischen Anfragepunkt und allen Punkten der Seitenregion (=> Lower Bound!!!)
- Beispiel: Berechnung der MINDIST für L_2 -Norm

$$\text{MINDIST}(q, \text{region}) = \sqrt{\sum_{0 < i \leq d} \begin{cases} (\text{region.LB}_i - q_i)^2 & \text{if } q_i \leq \text{region.LB}_i \\ 0 & \text{if } \text{region.LB}_i \leq q_i \leq \text{region.UB}_i \\ (q_i - \text{region.UB}_i)^2 & \text{if } \text{region.UB}_i \leq q_i \end{cases}}$$



LMU München – Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme WS07/08

- Mehrstufiger Algorithmus: Filter-/Refinement

- Lower Bounding Filterdistanz LB
- Upper Bounding Filterdistanz UB

RQ-MultiStep(DB, q, ϵ)

result = \emptyset ;

candidates = \emptyset ;

// Filter

FOR $i=1$ **TO** n **DO**

IF $\text{UB}(q, \text{DB.getObject}(i)) \leq \epsilon$ **THEN**

 result := result \cup getObject(i);

ELSE IF $\text{LB}(q, \text{DB.getObject}(i)) \leq \epsilon$ **THEN**

 candidates := candidates \cup getObject(i);

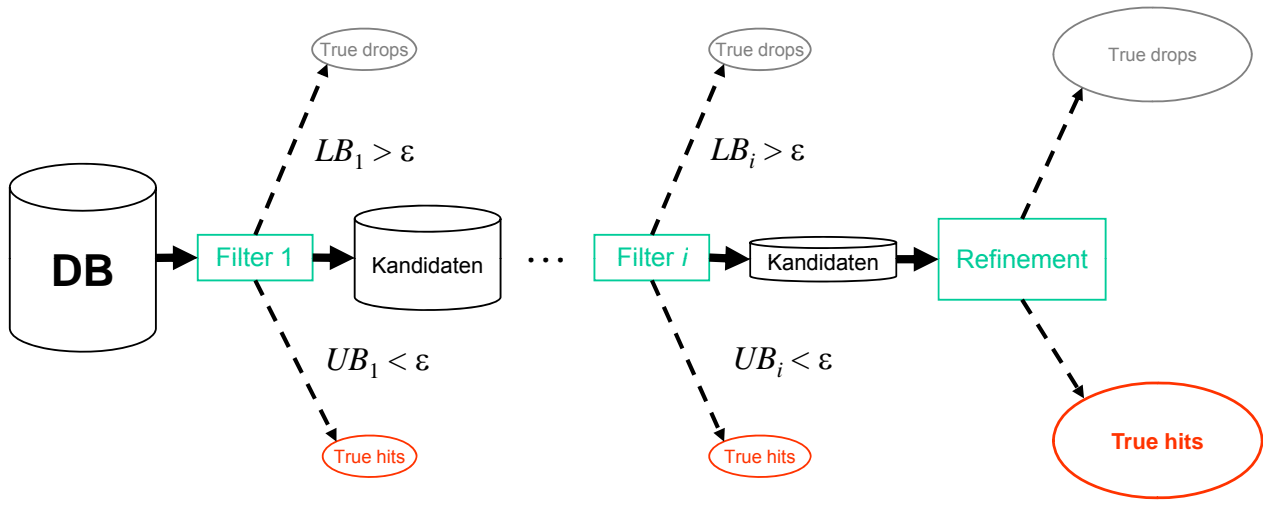
// Refinement

FOR $i=1$ **TO** candidates.size() **DO**

IF $\text{dist}(q, \text{candidates.getObject}(i)) \leq \epsilon$ **THEN**

 result := result \cup candidates.getObject(i);

RETURN result;



$$LB_1 \leq LB_2 \leq \dots \leq LB_i$$

$$UB_1 \geq UB_2 \geq \dots \geq UB_i$$

– Oft nur Lower Bounding Distanzen verwendet

=> Anzahl der Kandidaten größer, da keine true hits

8.4 Nächste-Nachbarn-Anfragen

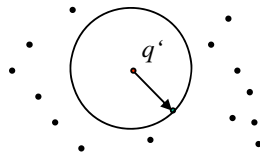
8.4.1 Nächste-Nachbarn-Anfrage

– Allgemeines

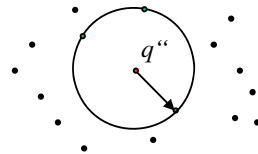
- Eigenschaften
 - Benutzer gibt Anfrageobjekt q vor
 - Ergebnis enthält das Objekt, das die geringste Distanz zu q hat
 - Mehrdeutigkeiten müssen sinnvoll behandelt werden (mehrere nächste Nachbarn, oder nichtdeterministisch ein Objekt)

- Formal

$$NN(q) = \{o \in DB \mid \forall x \in DB : dist(q, o) \leq dist(q, x)\}$$



Eindeutiges Ergebnis



Mehrdeutiges Ergebnis

LMU München – Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme WS07/08

– Basisalgorithmus (sequential scan): nichtdeterministisch

```

NN-SeqScan(DB, q)
  result = ∅;
  pruningdist = +∞;
  FOR i=1 TO n DO
    IF dist(q, DB.getObject(i)) ≤ pruningdist THEN
      result := getObject(i);
      pruningdist = dist(q, DB.getObject(i));
  RETURN result;
  
```

– Algorithmus mit Index: Einfache Tiefensuche

- Unterschied zur Range-Query
 - Nächste-Nachbar kann beliebig weit vom Anfragepunkt weg liegen
 - Gestalt der Query zunächst unbekannt
 - Es kann zunächst nicht anhand der Seitenregion entschieden werden, ob eine Seite gebraucht wird
 - Ob eine Seite gebraucht wird, hängt auch von dem Inhalt der anderen Seiten ab

- Kennt man NN-Distanz, würde Range-Query ausreichen
- Kennt man ein beliebiges Objekt, kann man dessen Abstand als obere Schranke für die NN-Distanz nutzen
- Kennt man mehrere Objekte, kann man den geringsten Abstand als obere Schranke für die NN-Distanz nutzen
- Umformulierung des RQ-Algorithmus:
 - Verwende als ε die kleinste Distanz zu den bisher gefundenen Nachbarn

Globale Variable: pruningdist = $+\infty$;

```

NN-Index-Simple-TS(pa, q)      // pa = page address z.B. der Wurzel des Indexes
result =  $\emptyset$ ;
p := pa.loadPage();
IF p.isDataPage() THEN
  FOR  $i=0$  TO p.size() DO
    IF dist(q, p.getObject(i))  $\leq$  pruningdist THEN
      result := getObject(i);
      stopdist = dist(q, p.getObject(i));
    ELSE                                // p ist Directoryseite
      FOR  $i=0$  TO p.size() DO
        IF MINDIST(q, p.getRegion(i))  $\leq$  pruningdist THEN
          result := NN-Index-Simple-TS(p.childPage(i), q)
      RETURN result;

```

LMU München – Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme WS07/08

– Algorithmus mit Index: Prioritätssuche nach [HS 95]

[Hjaltason, Samet. Proc. Int. Symp. on Large Spatial Databases (SSD), 1995]

- Statt rekursivem Durchlauf: Liste der aktiven Seiten (active page list APL)
 - Seite p ist aktiv genau dann, wenn folgende Bedingungen erfüllt sind:
 - » p wurde noch nicht geladen
 - » Elternseite von p wurde bereits geladen
 - » $\text{MINDIST}(q, \text{p.getRegion}()) \leq \text{pruningdist}$
 - APL wird mit Wurzel des Indexes initialisiert
 - Seiten in APL nach MINDIST zum Anfrageobjekt aufsteigend sortiert
 - Algorithmus entnimmt immer die erste Seite aus APL (mit kleinster MINDIST)
 - Entnommene Seite wird geladen und verarbeitet: („verfeinert“)
 - » Datenseiten werden wie bisher verarbeitet
 - » Directoryseiten: Kindseiten mit $\text{MINDIST} \leq \text{pruningdist}$ in APL einfügen
 - Ändert sich pruningdist werden Seiten mit $\text{MINDIST} > \text{pruningdist}$ alternativ:
 - » aus APL entfernt
 - » als gelöscht markiert
 - » ohne explizite Markierung später ignoriert

– Algorithmus:

Globale Variablen: pruningdist = $+\infty$;

NN-Index-HS(pa, q) // pa = page address z.B. der Wurzel des Indexes

result = \emptyset ;

apl = **LIST OF** (dist:Real, da:DiskAdress) **ORDERED BY** dist **ASCENDING**

apl = [(0.0, pa)]

WHILE NOT apl.isEmpty() **AND** apl.getFirst().dist \leq pruningdist **DO**

 p := apl.getFirst().da.loadPage();

 apl.deleteFirst();

IF p.isDataPage() **THEN**

 (* wie bisher *)

ELSE // p ist Directoryseite

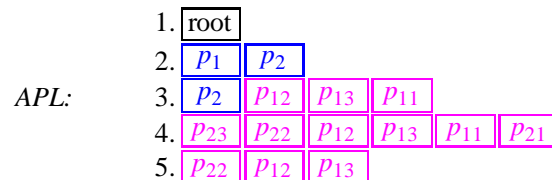
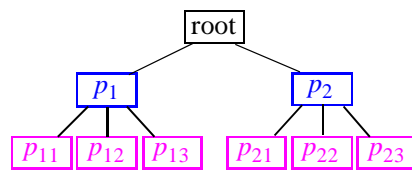
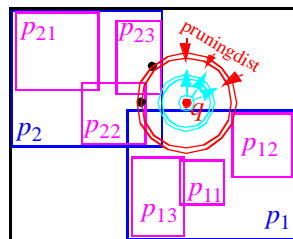
FOR i=0 **TO** p.size() **DO**

IF MINDIST(q, p.getRegion(i)) \leq pruningdist **THEN**

 apl.insert(MINDIST(q, p.getRegion(i)), p.childPage(i));

RETURN result;

• Beispiel



• Eigenschaften

– Allgemein

- » Seiten werden nach aufsteigendem Abstand geordnet zugegriffen (blaue Kreise)
- » pruningdist wird kleiner, sobald nähergelegenes Objekt gefunden (rote Kreise)
- » Anfragebearbeitung stoppt, wenn beide Kreise sich treffen

- Speicherbedarf
 - » Wie bei Breitensuche kann gesamter unterster Directorylevel in APL stehen
 - » Dieser Fall ist allerdings unwahrscheinlicher als bei Breitensuche
 - » Speicherkomplexität $O(n)$ (Tiefensuche $O(\log n)$)
- Optimalität des Verfahrens

[Berchtold, Böhm, Keim, Kriegel. ACM Symp. Principles of Database Systems (PODS), 1997]

 - Prioritätssuche nach [HS 95] ist optimal bzgl. der Anzahl der Seitenzugriffe
 - Beweis (Überblick):
 - » Lemma 1: jeder korrekte Algorithmus muss mind. die Seiten laden, die von der NN-Kugel um q berührt werden
 - » Lemma 2: das Verfahren greift auf Seiten in aufsteigendem Abstand von q zu
 - » Lemma 3: keine Seite s wird zugegriffen, mit $\text{MINDIST}(q, s) > \text{NN-Distanz}(q)$
 - **Lemma 1:** Ein korrekter NN-Algorithmus muss mind. die Seiten s laden, die $\text{MINDIST}(q, s) \leq \text{NN-Distanz}(q)$ erfüllen.

Beweis: Angenommen eine Seite s mit $\text{MINDIST}(q, s) \leq \text{NN-Distanz}(q)$ wird nicht geladen. Dann kann diese Seite Punkte enthalten (als Datenseite; Directoryseiten können im entspr. Teilbaum Punkte speichern), die näher am Anfragepunkt liegen als der nächste Nachbar. Der nächste Nachbar ist also nicht als solcher validiert, da über Punkte in einem Teilbaum keine Infos bekannt sind, außer dass sie in der entsprechenden Region liegen. □

- **Lemma 2:** Das Verfahren greift auf die Seiten des Index aufsteigend sortiert nach MINDIST zu.

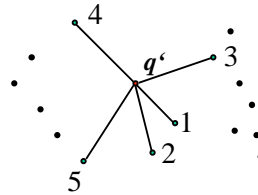
Beweis: Die Seiten werden in aufsteigender Reihenfolge aus der APL entnommen. Es muss also nur sichergestellt werden, dass nach Entnahme von Seite s keine Seiten s' mehr in APL eingefügt werden, mit $\text{MINDIST}(q, s') < r := \text{MINDIST}(q, s)$. Alle Seiten, die nach Entnahme von s in APL eingefügt werden, sind entweder Kindseiten von s oder Kindseiten von Seiten s'' mit $\text{MINDIST}(q, s'') \geq r$. Da die Region einer Kindseite in der Region der Elternseite vollständig eingeschlossen ist, ist die MINDIST einer Kindseite nie kleiner als die der Elternseite. Daher haben alle später eingefügten Seiten eine $\text{MINDIST} \geq r$. □
- **Lemma 3:** Das Verfahren greift auf keine Seite s zu, mit $\text{MINDIST}(q, s) > \text{NN-Distanz}(q)$.

Beweis: Nach Lemma 2 können nach Zugriff auf Seite s nur Punkte p gefunden werden, mit $\text{dist}(q, p) > \text{MINDIST}(q, s)$. Wäre vor Zugriff auf s ein Punkt p mit $\text{dist}(q, p) < \text{MINDIST}(q, s)$ gefunden worden, dann wäre s aus der APL gelöscht worden bzw. der Algorithmus hätte vor der Bearbeitung von p angehalten. □
- Aus Lemma 1-3 ergibt sich, dass der Algorithmus nach [HS 95] optimal bzgl. der Anzahl der Seitenzugriffe ist.

8.4.3 Nächste-Nachbarn-Ranking

– Allgemeines

- Eigenschaften
 - Benutzer gibt Anfrageobjekt q vor und initialisiert damit das Ranking
 - Benutzer kann mehrfach Funktion getNext() aufrufen, die ihm jeweils den 1., 2., usw. Nachbarn von q zurück gibt.
 - Mehrdeutigkeiten müssen wiederum sinnvoll behandelt werden
 - » Typischerweise nicht-deterministisch: der k -te Aufruf ergibt einen der k -NN



– Algorithmus mit Index

[Hjaltason, Samet. Int. Symp. Large Spatial Databases (SSD), 1995]

- Alle k -NN-Algorithmen können entsprechend erweitert werden
- Problem der rekursiven Algorithmen
 - Nachdem der i -te Nachbar gefunden ist, wird das Ergebnis an die Ranking-Ausgabe übergeben
 - Weitere getNext()-Aufrufe erfordern erneutes rekursives Suchen
- Vorteil der Prioritätssuche
 - Kompletter Zustand des Algorithmus ist in apl und result gespeichert
- Unterschied zum k -NN-Algorithmus
 - Unbeschränkte Ergebnisliste *result* in die jeder Punkt einer geladenen Datenseite eingefügt wird (**aufsteigend** nach Distanz zu q sortiert).
 - Keine Pruningdistanz => Kindseiten verfeinerter Seiten in APL einfügen
 - Algorithmus stoppt (für den aktuellen getNext()-Aufruf) sobald erste Seite in APL größere MINDIST zu q hat als bestes Element in *result*
 - Dieses Element wird aus result gelöscht und ausgegeben
 - Nächster getNext()-Aufruf arbeitet mit aktuellen APL und *result* weiter
- Hoher Speicherplatzbedarf: im worst case gesamte DB in *result*

- Algorithmus

Globale Variablen:

result = LIST OF (dist:Real, obj:Object) ORDERED BY dist ASCENDING;

apl = LIST OF (dist:Real, da:DiskAdress) ORDERED BY dist ASCENDING

NN-Ranking(pa, q)

result = [(+∞, dummy)];

apl = [(0.0, pa)];

WHILE NOT apl.isEmpty() **AND** apl.getFirst().dist ≤ result.getFirst().dist **DO**

 p = apl.getFirst().da.loadPage();

 apl.deleteFirst();

IF p.isDataPage() **THEN**

FOR i=0 **TO** p.size() **DO** // Jedes Objekt einfügen

 result.insert((dist(q, p.getObject(i)),p.getObject(i)));

ELSE

 // p ist Directoryseite

FOR i=0 **TO** p.size() **DO** // Jede Seite einfügen

 apl.insert((MINDIST(q, p.getRegion(i)),p.getChildPage(i)));

resultObject = result.getFirst().obj;

result.deleteFirst();

RETURN resultObject;

LMU München – Skript zur Vorlesung: Index- und Speicherungsstrukturen für Datenbanksysteme WS07/08